

Animal : **Sheyenne de la Légende du Loup Noir**

| | |
|--|---|
| N° d'identification : 250 268 743 845 983 | Propriétaire : Laëtitia BRISWALTER |
| Race : Altdeutsche Schäferhunde | N° de prélèvement : E00778072 (prélevé le 20/02/2023) |
| Sexe : Femelle | Code résultat : A00027699 |
| Date de naissance : 04/05/2021 | Préleveur : Alexandre LAMBERT (Vétérinaire - N° d'ordre : 37566) |
| Pedigree : | Prélèvement authentifié |
| Résultat établi le : 03/03/2023 | Document établi le : 03/03/2023 |

| MALADIES | GÈNE Mutation | Mode d'expression | RÉSULTAT | EXPRESSION | TRANSMISSION |
|---------------------------------|--------------------------|------------------------|--------------------------|------------|--------------|
| Myélopathie Dégénérative (DM) | SOD1 c.118G>A | Autosomique récessif | Homozygote normal | ✓ | ✓ |
| Nanisme Hypophysaire | LHX3 7pb del intron 5 | Autosomique récessif | Homozygote normal | ✓ | ✓ |
| Hyperuricosurie (HUU) | SLC2A9 c.616G>T | Autosomique récessif | Homozygote normal | ✓ | ✓ |
| Sensibilité Médicamenteuse MDR1 | MDR1 c.227_230delATAG | Autosomique codominant | Homozygote normal | ✓ | ✓ |

| EXPLICATIONS | EXPRESSION | TRANSMISSION |
|--|--|--|
| Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène. | ✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée. | L'animal ne transmet pas la mutation testée. |
| Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène. | ! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes. | L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée. |
| Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène. | | |

Animal : **Sheyenne de la Légende du Loup Noir**

| | | | |
|-----------------------|---------------------------------|----------------------|---|
| N° d'identification : | 250 268 743 845 983 | Propriétaire : | Laëtitia BRISWALTER |
| Race : | Altdeutsche Schäferhunde | N° de prélèvement : | E00778072 (prélevé le 20/02/2023) |
| Sexe : | Femelle | Code résultat : | A00027699 |
| Date de naissance : | 04/05/2021 | Préleveur : | Alexandre LAMBERT (Vétérinaire - N° d'ordre : 37566) |
| Pedigree : | | | Prélèvement authentifié |
| Résultat établi le : | 03/03/2023 | Document établi le : | 03/03/2023 |

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

| | GÈNE Mutation | Mode d'expression | RÉSULTAT |
|--|-------------------------|----------------------|--|
| Locus A - Agouti | | | |
| a | ASIP c.286C>T | Autosomique récessif | a^w/a |
| A ^y | ASIP c.244G>T/248G>A | Autosomique dominant | a^w/a^w |
| Locus B - Marron | | | |
| | | | Non Porteur Marron (B/B) |
| b ^a | TYRP1 c.555T>G | Autosomique récessif | B/B |
| b ^c | TYRP1 c.121T>A | Autosomique récessif | B/B |
| b ^d | TYRP1 c.1033_1035del | Autosomique récessif | B/B |
| b ^e | TYRP1 c.1025T>G | Autosomique récessif | B/B |
| b ^s | TYRP1 c.991C>T | Autosomique récessif | B/B |
| Locus D - Dilution | | | |
| | | | Non Porteur (D/D) |
| d | MLPH c.22G>A | Autosomique récessif | D/D |
| d ² | MLPH c.705G>C | Autosomique récessif | D/D |
| d ³ | MLPH c.667_668insC | Autosomique récessif | D/D |
| Locus E - Extension | | | |
| | | | Masque Sombre (E^m/E^m) |
| e | MC1R c.916C>T | Autosomique récessif | E/E |
| e ² | MC1R g.63695679C>G | Autosomique récessif | E/E |
| e ³ | MC1R c.816_817delCT | Autosomique récessif | E/E |
| E ^m | MC1R c.790A>G | Autosomique dominant | E^m/E^m |
| Locus I - Intensité (i) | | | |
| | | | Intensité forte à modérée (porteur I/i) |
| Locus K - Noir Dominant (K^h) | | | |
| | | | Noir dominant ou bringé (K^h/k^y) |
| Poil Bouclé ou Ondulé (c¹) | | | |
| | | | Non porteur (C/C) |
| Polydactylie | | | |
| | | | Non porteur de polydactylie |
| Shedding | | | |
| | | | Chute de poils abondante |